



17, 18 y 19 de octubre de 2018

## 20. Química

# Síntesis y caracterización de complejos helicoidales de Ru (II) para su estudio como agentes coordinadores de ADN.

Staforelli, Sebastián; Escudero, Dayra; Orientador: Dr. Lemus, Luis sebastian.staforelli@usach.cl, dayra.escudero@usach.cl
Facultad de Química y Biología
Universidad de Santiago de Chile

#### Resumen

En los últimos años, la química inorgánica medicinal ha realizado un gran esfuerzo en el diseño y evaluación de nuevos agentes sintéticos, aprovechando las diversas geometrías y números de coordinación de los metales, así como la amplia gama de ligandos disponibles, con el fin de obtener compuestos con propiedades deseables contra blancos biológicos para el tratamiento de enfermedades como el cáncer. Entre los compuestos con propiedades interesantes para la modificación estructural del ADN están los helicatos, debido a su similitud con biomoléculas como las α-hélices, su naturaleza catiónica y quiralidad intrínseca, favoreciendo así su interacción con el ADN. Sin embargo, la mayoría de los complejos helicoidales descritos en la bibliografía son racémicos, que pueden separarse en sus enantiómeros por procedimientos costosos y difíciles. Considerando ligandos quirales con al menos un centro de carbono ópticamente activo, es posible generar entornos de coordinación alrededor del metal para producir selectivamente conformaciones  $\Delta\Delta$  o  $\Lambda\Lambda$ . Ante los antecedentes sobre el carácter "topológico" del proceso de reconocimiento molecular, que da lugar al establecimiento de interacciones entre helicatos y ADN, en este trabajo se estudia el efecto de la quiralidad de los helicatos bimetálicos en sus afinidades hacia el ADN. La preparación, caracterización y evaluación de la interacción con ADN de dos complejos derivados de Ru (II) que tienen ligandos de bis-fenantrolina con espaciadores (R,R)-trans-1,2-ciclohexanodimino-1,10-fenantrolina quirales, (S,S)-trans-1,2ciclohexanodimino-1,10-fenantrolina. Los estudios de electroforesis, UV-vis y RMN indican una diferenciación en la interacción de ambos helicatos con el ADN, que se atribuye al carácter enantioselectivo en el establecimiento de tales interacciones.

Palabras clave: Estructuras helicoidales, N ligandos, Rutenio, Quiralidad, ADN.







17, 18 y 19 de octubre de 2018

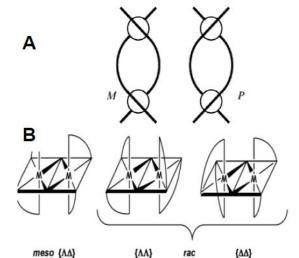


Universidad Nacional de Cuyo | Mendoza | Argentina

## Introducción

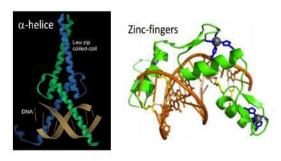
La Química Supramolecular[1] ha desarrollado metodologías para el diseño sistemas construidos a partir de componentes moleculares que interactúan a través de fuerzas intermoleculares no covalentes, convirtiéndose en un creciente campo de investigación. Un grupo de estructuras supramoleculares que han despertado gran interés debido a la arquitectura que presentan son conocidos como Helicatos,[2] definidos auto-ensambladas estructuras constituidas por dos o más hebras de ligandos, que se unen y enrollan a través de una serie de cationes metálicos, dando resultado como una estructura helicoidal.[3] Al igual que el ADN, los helicatos son moléculas que poseen quiralidad, la que es definida por el sentido de giro de los ligandos al coordinar los centros metálicos, diferenciándose dos enantiómeros, siendo el enantiómero M aquel donde el ligando se enrolla a "mano izquierda" y el enantiómero P hacia "mano derecha" . (Figura 1.A).

Además, pueden existir dos situaciones posibles; si se opone la actividad óptica en los dos centros metálicos, surge la forma meso (no posee quiralidad) y si los dos centros metálicos son homoquirales, se forma una mezcla racémica (formas  $\Delta\Delta$  o P y las formas  $\Lambda\Lambda$  o M) [4] (Figura 1.B).



**Figura 1. a)** Representación de los enantiómeros bimetálicos helicoidales M y P. b) Visión esquemática de las posibilidades isomérica de un helicato.

Además del atractivo estructural que tienen éstos complejos helicoidales, presentan similitudes con estructuras biológicas como los "dedos de zinc y las alfa-hélices (Figura 2), que corresponden a segmentos proteicos que se enrollan sobre un eje helicoidal y se unen de manera reversible al surco mayor del ADN. Estas estructuras biológicas tienen la función de reconocer el ADN y regular su expresión genética [5]



**Figura 2.** Alfa hélice y dedos de zinc unidos al surco mayor del ADN.





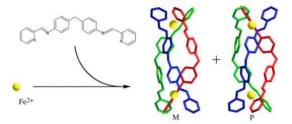




17, 18 y 19 de octubre de 2018

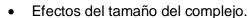
Dada la similitud de los helicatos con estructuras biológicas de reconocimiento de ADN, estos han sido utilizados para el estudio del tipo de interacción que existe entre estos complejos metálicos y el ADN, donde la naturaleza intrínsecamente quiral que presentan estos complejos, así como características topológicas (tamaño y forma) y la carga dada por los centros metálicos, son consideraciones claves en el proceso de reconocimiento y unión no covalente con el ADN. [6]

Hannon y colaboradores [7] han sido pioneros en la exploración de complejos helicoidales que interactúan con el ADN, a partir de la obtención del complejo *rac*-[Fe<sup>II</sup><sub>2</sub>L<sub>3</sub>]<sup>4+</sup>(rac=racémico), que está formado de tres ligandos bis(piridilimina) (L) que coordinan a dos centros de hierro (II) (Figura 3).



**Figura 3.** Helicato  $[Fe_2L_3]^{4+}$ , a la izquierda se muestra el enantiómero M y a la derecha el enantiómero P.

Del estudio sistemático del complejo de Fe(II) junto con el uso de complejos similares derivados de Ni(II), Ru(II) y Cu(I), Hannon logró establecer una serie de conclusiones respecto al tamaño, carga y tipo de metal, tienen sobre la interacción con ADN.



Hannon visualizó el grado de interacción del helicato *rac*-[Fe<sub>2</sub>L<sub>3</sub>]<sup>4+</sup> con doble hebras de ADN mediante microscopía de fuerza atómica (AFM, de sus siglas en inglés *Atomic Force Microscopy*), a diferentes concentraciones de helicato utilizando dos complejos monometálicos como control, [Co(NH<sub>3</sub>)<sub>6</sub>]<sup>3+</sup> y [Ru(phen)<sub>3</sub>]<sup>2+</sup>.

Estos dos complejos presentan características diferentes de unión al ADN, siendo el complejo de cobalto un agente de condensación de ADN y el complejo de rutenio un modelo de comparación de forma molecular "esférica", teniendo la mitad de la carga catiónica y del tamaño que el complejo helicoidal de Fe (II). En comparación a éstos dos monometálicos, el helicato ferroso no produce condensación de ADN, pero causa la curvatura en la doble hebra por su coordinación a ésta. Este resultado está atribuido al tamaño que posee el helicato rac-[Fe<sub>2</sub>L<sub>3</sub>]<sup>4+</sup> (longitud: 17,3 Å y ancho: 5,3 Å), que provoca importantes flexiones intramoleculares en el ADN, modificaciones generando en su conformación, comparación en al complejo de cobalto que solo actuó como agente de condensación de ADN y el complejo de rutenio que, considerando que es la mitad que el complejo helicoidal de Hierro en cuanto a carga, tamaño y forma, no logró efecto de curvatura en la doble hebra.









17, 18 y 19 de octubre de 2018

Efectos de la carga del complejo.

Con el fin de evaluar el efecto de la carga catiónica de los helicatos en la fuerza y la extensión de la unión al ADN aniónico, Childs y colaboradores,[8] estudiaron helicatos dinucleares de Cu(I) [Cu<sub>2</sub>L<sub>2</sub>]<sup>2+</sup>, resultando ser similares en tamaño y forma (longitud: 18,5 Å y ancho: 5,5 Å), pero de carga catiónica menor que al helicato de Fe (II) de triple cadena homóloga, determinando que complejo di catiónico de Cu(I) se une al ADN menos fuertemente que el de hierro tetra catiónico. logrando sólo agregación de las hebras, lo que confirma que la carga catiónica de los complejos es un factor importante frente a la unión a ADN polianiónico.

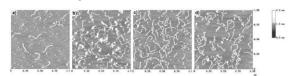
## Efectos del Metal.

Así también, en el grupo de Hannon, observaron que al comparar la afinidad del helicato *rac-*[Fe<sub>2</sub>L<sub>3</sub>]<sup>4+</sup> por el ADN con otros helicatos bimetálicos de triple hebra [M<sub>2</sub>IIL<sub>3</sub>]<sup>4+</sup> que poseen diferentes centros metálicos (M= Ni, Ru o Co) pero si el mismo tamaño, forma y carga, la afinidad de estos helicatos por ADN no depende del metal, induciendo todos ellos, efectos similares sobre la estructura de la doble hélice. [9]

De esta manera, este grupo de investigación permitió establecer que tanto la afinidad de interacción de helicatos con el ADN y sus modos de unión son independientes del metal, pero si están

fuertemente determinado por el tamaño y forma (definida por el ligando) y la carga catiónica que presentan estas metalo-estructuras. Además, las observaciones recogidas del trabajo de Hannon apuntan a que el proceso de reconocimiento entre helicato y el ADN es de carácter "topológico", debido a la forma, tamaño y carga que posee el complejo, dando origen al establecimiento de interacciones de distinta naturaleza y magnitud.

En general, los complejos que mejor se ajustan a la estructura de la doble hélice del ADN tienen mayor afinidad de unión, es por esto que Meistermann colaboradores, [10] estudiaron por separado el efecto que generan los enantiómeros M y P de [Fe<sub>2</sub>L<sub>3</sub>]<sup>4+</sup> (Figura 3.) al interaccionar con ADN calf-thymus (ADN en forma B), a partir de imágenes de AFM, que indican que existe mayor interacción entre el ADN y el enantiómero M por sobre el enantiómero P del helicato, provocando el enantiómero M un marcado enrollamiento de las hebras de ADN (Figura 4b.), mientras el enantiómero P, solo logra una leve curvatura de las hebras (Figura 4c.).



**Figura 4.** Imágenes AFM de fragmentos de 200 pb de ADN lineal incubado con [Fe<sub>2</sub>L<sub>3</sub>]<sup>4+</sup> a 37°C. a) ADN libre, b) ADN incubado con enantiómero M en relación 10:3, c) ADN incubado con enantiómero P en relación 10:3 d) ADN incubado con *rac*-[Fe<sub>2</sub>L<sub>3</sub>]<sup>4+</sup> en relación 10:3.



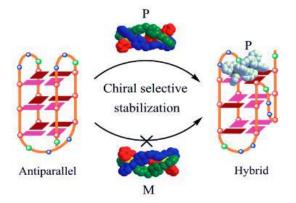






17, 18 y 19 de octubre de 2018

Así también, el papel que juega quiralidad de helicatos sobre la modificación de las estructuras de ADN ha sido abordado por Yu y colaboradores,[11] quienes estudiaron los mismos helicatos  $[M_2L_3]^{4+}$  (M= Fe (II) o Ni (II)) como agentes de unión a ADN telomérico humano Gquadruplex, mostrando que la selectividad quiral en la estabilización del ADN Gquadruplex resultó ser más fuerte para el enantiómero P que para el enantiómero M (Figura 5), y de manera interesante esta selectividad quiral resultó nuevamente ser, independiente del metal.

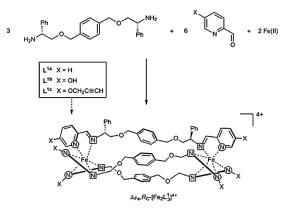


**Figura 5.** Enantioselectividad en la estabilización y unión del ADN telomérico G-quadruplex con helicatos.

Este hallazgo indica que la enantioselectividad en la unión helicatos con ADN no se limita a seguir la regla general que el enantiómero M siempre se asocia con confirmando que la interacción complejo-ADN dependerá tanto de la helicidad del enantiómero sintético, como des ADN con el que interacciona.[12]

Últimamente, existido ha una aproximación en esta línea mediante el estudio de helicatos que poseen ligandos flexibles con centros estereogénicos en los espaciadores que unen los fragmentos coordinantes, los cuales son capaces de dirigir el sentido de giro del helicato con la obtención de "ligandos pro-quirales",[13] En este enfoque, el grupo de investigación estudiado Scott[14] ha nuevos complejos helicoidales ópticamente puros de Fe (II) y Zn (II) de triple hebra, a partir de ligandos pro-quirales mucho más flexibles en comparación con los clásicos helicatos rígidos, denominando a éstos como "Flexicatos".

La característica principal de este grupo de complejos es su pureza óptica dada por la información quiral contenida en el ligando, que es transferida eficientemente al centro metálico durante la coordinación, además de ser solubles y estables en medio acuoso y sus propiedades se pueden ajustar u optimizar, siendo fácilmente disponibles en una escala práctica (figura 6).



**Figura 6.** Auto ensamble de flexicato de Fe(II) enantioméricamente puro.









17, 18 y 19 de octubre de 2018

En este trabajo se presenta la preparación y caracterización de un ligando bisfenantrolina para la obtención de un complejo bi-metálico de rutenio (II), donde el diseño del ligando (fragmentos coordinantes y espaciador) favorece la formación preferencial de un complejo helicoidal.

Así también, se discute el efecto que tiene la quiralidad de los helicatos sobre su afinidad por coordinar ADN, donde el sentido de giro de los complejos favorece coordinación de de uno enantiómeros por sobre el otro (enantioselectividad), confirmando que el reconocimiento da que origen establecimiento de interacciones entre helicato y ADN es de tipo "topológico".

## **Objetivos**

- Sintetizar y caracterizar un complejo bimetálico de Ru(II) derivado de un ligando bisfenantrolina, cuyo diseño favorezca la obtención de una estructura helicoidal y confiera un sentido de giro preferencial en la conformación del complejo obtenido.
- Evaluar modificaciones estructurales, cambios conformacionales o cortes en las hebras o degradación del ADN causados por la coordinación de los helicatos, mediante el uso de las técnicas de electroforesis.

# Materiales y Métodos

Los reactivos necesarios para la síntesis de los ligandos y los complejos fueron utilizados sin previo tratamiento corresponden a reactivos grado síntesis: 1,10-fenantrolina monohidratado ≥99.5% (Merck), peróxido de hidrógeno al 30% (Merck), KOH (Merck), Na<sub>2</sub>SO<sub>4</sub> anhidro 99,4% (J.T. Baker), cianuro de potasio ≥ 96 %, cloruro de benzoilo ≥99% (Sigma-Aldrich), NaOH ≥99% (Merck), ácido clorhídrico 32% (Merck), cloruro de tionilo ≥99.0 % (Merck), borohidruro de sodio ≥96% (Sigma-Aldrich), dióxido de selenio ≥98% (Sigma-Aldrich), (1R,2R)-(-)-1,2diaminociclohexano ≥98% (Sigma-Aldrich). El complejo precursor de rutenio utilizado fue Ru(DMSO)<sub>4</sub>Cl<sub>2</sub>.

Para el estudio mediante electroforesis se utilizaron los siguientes reactivos: ADN plasmidial pBR322 de E. coli ER2272 (1 μg/uL) en solución buffer (10 mM Tris-HCl, 1 mM EDTA, pH 8,0) (New England BioLabs), enzima de restricción Eco RI (20,000)unidades/mL, New England Biolabs), buffer TAE 50x (Tris-Acetato; EDTA grado ultra puro, Amresco), buffer carga azul-celeste 6x (Winkler), GelGreen Nucleic Acid Gel Stain, 10,000X en agua (Biotium), ADN decámero 1µmol de dúplex liofilizado d(5'-CGCGATCGCG-3')2 (Integrated DNA Technologies) y sal sódica del ácido-3-trimetilsilil propiónico (TSP, Sigma-Aldrich).









Todos los solventes utilizados son de procedencia Merck. Metanol fue secado con CaCl<sub>2</sub> y tamiz molecular 4 Å durante 12 h, previo tratamiento del tamiz el cual fue activado a 400°C durante 3 h. Acetonitrilo usado en medidas voltametría cíclica fue secado usando P<sub>2</sub>O<sub>5</sub> y recogido directamente desde el destilador para usarlo de manera inmediata en las medidas electroquímicas. El resto de solventes fue utilizado sin previo tratamiento: Ácido acético glacial, Etanol pa. 99,5%, cloroformo pa. 99%, diclorometano pa. 99,5%, acetonitrilo pa. 99,9%, metanol pa. 99,9 %, piridina 99%, cloroformo-d 1 99,8%, acetonitrilo-d 3 6 99,9%, 99%, acetona-d tetracloroetano-d 2 99,5%, metanol-d 4

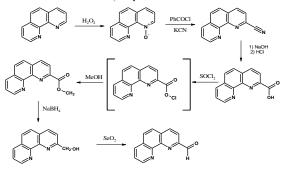
Todas las soluciones acuosas para experimentos de electroforesis fueron preparadas con agua libre de nucleasas, mientras que para las soluciones utilizadas en experimentos de RMN 1D con ADN fueron preparadas con agua milli-Q (Heal Force, Ultra Pure Water System).

99,8%.

# <u>Síntesis del precursor 2-cabaldehido-1,10-</u> fenantrolina.

La síntesis de 2-carbaldehído-1,10fenantrolina fue realizada siguiendo el procedimiento reportado previamente en literatura [15] y como se describe en la figura 7.





**Figura 7.** Esquema de síntesis del precursor 2-carbaldehído-1,10-fenantrolina.

Síntesis de los ligandos (R,R)-(2-DPIM) ((R,R)-trans-1,2-ciclohexanodiimino-1,10-fenantrolina) y (S,S)-(2-DPIM) ((S,S)-trans-1,2-ciclohexanodiimino-1,10-fenantrolina)).

La síntesis del ligando (R,R)-trans-1,2-ciclohexanodiimino-1,10-fenantrolina,

(R,R)-2-DPIM, fue realizada según el esquema de síntesis que se muestra en la figura 8. 600 mg (2,9 mmol) del precursor 2-carbaldehído-1,10-fenantrolina y 164,8 (3,3)mmol) de (1R,2R)-(-)-1,2diaminociclohexano se mezclaron en 4 mL de metanol anhidro en un reactor tipo Parr. La mezcla de reacción se irradió en un horno de microondas (MW) durante 20 aproximadamente potencia. Después, el producto resultante se extrajo con éter etílico para dar un sólido marrón con un rendimiento del 83%. Para la obtención del ligando (S,S)trans-1,2-ciclohexanodiimino-1,10-

fenantrolina, (S,S)-2-DPIM, se realizó el mismo procedimiento experimental anterior, pero esta vez utilizando el espaciador (1S,2S)-(+)-1,2-



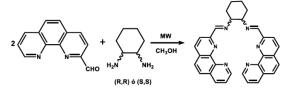






17, 18 y 19 de octubre de 2018

diaminociclohexano.



**Figura 8.** Esquema de la síntesis del ligando dímero (R,R)-(2-DPIM) ó (S,S)-(2-DPIM).

<u>Síntesis del complejo [Ru $^{\parallel}2((R,R)-2-DPIM)_2$ ](NO<sub>3</sub>)<sub>4</sub> y [Ru $^{\parallel}2((S,S)-2-DPIM)_2$ ](NO<sub>3</sub>)<sub>4</sub>.</u>

Para la síntesis de cada uno de los complejos, se utilizaron los ligandos (R,R)-(2-DPIM) y (S,S)-(2-DPIM) (0,55 g, 0,89 mmol) y Ru(DMSO)<sub>4</sub>Cl<sub>2</sub> (0,54 g, 1,11 mmol), siendo mezclados con 5 ml de metanol en un reactor metálico de tipo Parr. La mezcla de reacción se irradió 2 veces durante 30 min a una potencia de 800 W en un horno microondas. Posteriormente, el producto resultante fue extraído con metanol y rotoevaporado para dar una mezcla aceitosa productos de color marrón, la cual fue disuelta en agua y filtrada para eliminar sólidos insolubles. El sólido resultante fue filtrado y purificado con una columna cromatográfica de alúmina usando acetonitrilo-agua-solución saturada KNO<sub>3</sub> en proporciones de 20:1:1 como fase móvil. La presencia de KNO3 en la columna cromatográfica produjo reemplazo de los iones de cloruros por  $NO_3$  -.

# Electroforesis.

El estudio de la interacción de los complejos  $[Ru^{II}_{2}((R,R)-2-DPIM)_{2}](NO_{3})_{4}$  y  $[Ru^{II}_{2}((S,S)-2-DPIM)_{2}](NO_{3})_{4}$  con ADN se realizó mediante la técnica de electroforesis en gel.

Se preparó una solución stock plasmidio pBR322, utilizada para incubar 7 muestras con 2 µL cada una, además de la preparación de las 2 soluciones stock del complejo a 0,56 mM y 1,7 mM en agua milli-Q, tomando los volúmenes necesarios para lograr concentraciones de 3,75 µM, 7,5 µM, 18,78 µM, 37,56 µM y 225 µM, adicionacionado posteriormente 2 µL de agua libre de nucleasas, incubando todas las muestras durante 30 min. para adicionar 3 µL de buffer de carga, llegando a un volumen total de 10 μL. Para los 2 complejos se utilizó un control de plasmidio lineal (carril 8), el cual se obtuvo incubando 1 µg (1 µL) de plasmidio pBR322 con 1 µL de enzima de restricción Eco RI, agregando 5 µL de solución buffer NeBuffer 10X y 43 µL de agua libre de nucleasas, manteniéndose durante 200 min en un baño de agua a 37°C.

Estudio de la interacción oligonucleótidocomplejo. Determinación de la constante de unión Kb, mediante RMN.

Para los complejos bimetálicos  $[Ru^{II}_{2}((R,R)-2-DPIM)_{2}](NO_{3})_{4}$  y  $[Ru^{II}_{2}((S,S)-2-DPIM)_{2}](NO_{3})_{4}$  se prepararon soluciones stock de concentración 1,14  $\mu$ M en buffer fosfato (10 mM) pH=7,0 en 90% H<sub>2</sub>O/ 10%









17, 18 y 19 de octubre de 2018

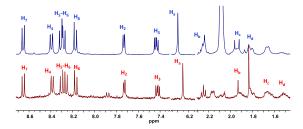
D<sub>2</sub>O. La solución de ADN se preparó a partir de 1µmol de oligonucleótido dúplex d(5'-CGCGATCGCG3')2 disuelto en 1000 µL del mismo buffer, obteniendo una solución de concentración 1 mM de dúplex ([ADN]). De esta solución de ADN se tomaron 500 añadieron μL se sucesivamente alícuotas de 40 µL de corresponden complejo, que incrementos de 0,1 equiv. hasta llegar a r=[ADN]/[complejo]=1,7. valor de Luego, las adiciones se incrementaron en 0,2 hasta alcanzar 2,0 equiv. Luego de cada adición, se registraron espectros de RMN-1H. La temperatura se mantuvo constante a 300 K a lo largo de la titulación.

# Resultados y Discusión Síntesis y caracterización de helicatos de Ru(II).

Se prepararon ligandos guirales (S,S)-2-DPIM y (R,R)-2-DPIM por condensación de 2-carbaldehído-1,10ea fenantrolina con 1 eq de los espaciadores quirales (S,S) (R,R)-trans-1,2-Υ ciclohexanodimino, respectivamente. La reacción asistida por microondas de los ligandos con Ru(DMSO)<sub>4</sub>Cl<sub>2</sub>, produjo los helicatos ópticamente activos  $[Ru_2((R,R)-2-DPIM)_2]^{4+}$  y M- $[Ru_2((S,S)-2-$ DPIM)<sub>2</sub>]<sup>4+</sup>, después de la precipitación en forma de sales de nitrato y purificación en columna cromatográfica.

Pequeñas diferencias en los espectros de RMN de ambos helicatos surge de la

conformación de los espaciadores ciclohexano, que evidencian el carácter enantiomérico de ambos complejos (figura 9).



**Figura 9.** Espectros de <sup>1</sup>H-NMR de helicatos M-(rojo) y P- (azul) de Ru (II), en CD<sub>3</sub>OD a 300K.



Figura 10. Esquema de síntesis geometría optimizada (DFT/wB97X-D3/Def2-TZVP) de los helicatos bimetálicos M y P de Ru (II).

# Espectrometría de masas del complejo [Ru<sub>2</sub>(2-DPIM)<sub>2</sub>](NO<sub>3</sub>)<sub>4</sub>.

El espectro de masas del complejo  $[Ru^{II}_{2}((R,R)-2-DPIM)_{2}](NO_{3})_{4}$  mostró dos picos principales de ion molecular de similar intensidad relativa, en una ventana total de 0 a 2000 m/z. Los picos de iones moleculares aparecen a m/z =298,2 y m/z= 659,3. A partir de la comparación con los patrones isotópicos calculados, figura 11, el pico de valor m/z=298,2 correspondería a la especie tetra-catiónica esperada  $[Ru^{\parallel}_{2}(R,R-2-DPIM)_{2}]^{4+}$ (1192,26/4), lo cual indica una relación metal-ligando 1:1 (sin contra-iones nitrato). Además, se descarta la formación









17, 18 y 19 de octubre de 2018

de la especie monometálica [Rul((R,R)-2-DPIM)]<sup>2+</sup>, debido a que la presencia del doble enlace del grupo imina confiere rigidez al ligando, impidiendo la hexacoordinación de ambos fragmentos fenantrolínicos de la misma cadena a un átomo de rutenio.[16] Así también, no es probable que este pico sea atribuido a esta especie monometálica [Rull((R,R)-2-DPIM)]2+ considerando una coordinación parcial del ligando, ya que en base a los resultados obtenidos mediante RMN, en el ligando bis-fenantrolínico coordinado se observa un único patrón de señales aromáticas, lo cual indica que no existe un fragmento fenantrolina descoordinado en el compuesto medido.

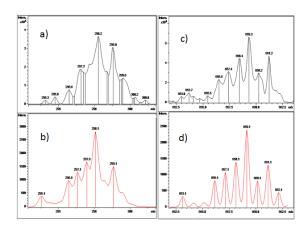


Figura 11. Patrón isotópico experimental (negro) y complejo calculado [Ru<sub>2</sub>((R,R)-2-(rojo) del DPIM)2](NO3)4. Los espectros calculados fueron obtenidos del software Burker Daltonic DataAnalisis. Los espectros experimental y calculado en a) y b) corresponden a [Ru<sup>II</sup><sub>2</sub>((R,R)-2- $DPIM)_2^{4+}$  (m/z =298,2) Los espectros experimental y calculado en c) y d) corresponden a {[Ru<sup>II</sup><sub>2</sub>((R,R)- $2-DPIM_2](NO_3)_2\}^{2+}$ , m/z= 659,3.

Respecto al segundo pico observado a m/z = 659,3, este correspondería a la bimetálica  $\{[Ru]_{2}^{\parallel}((R,R)-2$ especie  $DPIM_{2}(NO_{3})_{2}^{2+}$ , cuya masa molar es 1316,22 g/mol y carga total es (m/z=658,11). La presencia de este pico como especie principal detectada en los espectros de masa señala que existe asociación de dos iones NO<sub>3</sub> al complejo bimetálico catiónico, probablemente por atracción electrostática a los centros metálicos de Ru(II). Además, existe una diferencia entre los valores experimentales y calculados de 1 unidad de m/z, por lo que es posible que la molécula se encuentre protonada (o bien uno de los contraiones) debido a las condiciones experimentales de medida en el espectrómetro ESI-MS. Los resultados espectrometría de masas electrospray son coherentes fórmula propuesta para el complejo. Esto, junto a los resultados de caracterización por RMN confirman la formación de la especie bimetálica esperada.

# Caracterización mediante Dicroísmo Circular

Se realizaron mediciones de dicroísmo circular en acetonitrilo para evaluar la pureza óptica de ambos enantiómeros. Los ligandos libres mostraron bandas con signos opuestos por debajo de 330 nm. En consecuencia, las bandas a longitudes de onda superiores a 350 nm se atribuyen a la helicidad de los complejos.

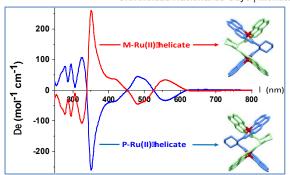








17, 18 y 19 de octubre de 2018



**Figura 12.** Espectros de CD de helicatos de Ru (II) enantioméricamente puros M (rojo) y P (azul).

# Interacción de los enantiómeros de Ru (II) con ADN plasmídico por electroforesis.

Los experimentos de electroforesis mostraron que ambos enantiómeros no pueden escindir el ADN plasmídico. Sin embargo, como se observa en la figura 13, la unión del enantiómero M induce un retraso más pronunciado en la migración del ADN, debido a la disminución de la carga aniónica en el biopolímero.

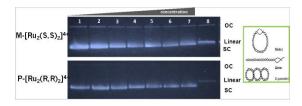
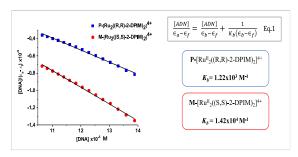


Figura 13. Interacción de pBR322 con M-[Ru $^{\parallel}_2$ ((S,S)-2-DPIM) $_2$ ]<sup>4+</sup> y P-[Ru $^{\parallel}_2$ ((R,R)-2-DPIM) $_2$ ]<sup>4+</sup> . Línea 1: Control del plásmido SC 112,8 μM. Líneas 2-7: DNA 112,8 μM + Complejo, 2: 3,75 μM, 3: 7,5 μM, 4: 18,78 μM, 5: 37,56 μM, 6: 225 μΜ, 7: 1,13 mM. Línea 8: plásmido lineal control.

# Determinación de la constante de unión aparente, K<sub>b</sub>, por UV-Vis y <sup>1</sup>H-NMR.

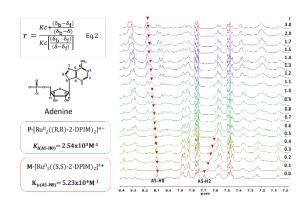
Experimentos UV-vis permitieron determinar las constantes de unión, K<sub>b</sub>, de cada enantiómero sobre la unión de ct-

ADN, figura 14. Al igual que lo observado por electroforesis, el enantiómero M tiene una afinidad más alta por la unión al ADN, donde su valor K<sub>b</sub> es un orden de magnitud mayor que el enantiómero P.



**Figura 14.** Determinación de Kb por titulación de ADN-ct con cada enantiómero.

La afinidad de cada enantiómero también se evaluó mediante RMN-<sup>1</sup>H, usando un oligonucleótido de secuencia conocida, d(5'-CGCGATCGCG-3')<sub>2</sub>. El desplazamiento químico de H8 y H2 de la adenina central se usó en la ecuación 2 para determinar los valores de K<sub>b</sub>, que resultaron mayores para el enantiómero M, figura 15.



**Figura 15.** Determinación de  $K_b$  por valoración de un oligonucleótido con  $M-[Ru_2((S,S)-2-DPIM)_2]^{4+}$ . La relación [complejo] / [ADN] se indica como el valor r.









17, 18 y 19 de octubre de 2018

## **Conclusiones**

La síntesis de los ligando pro quirales bisfenantrolínico (R,R) y (S,S)-2-DPIM fue realizada con éxito a partir de una serie de reacciones de sustitución sobre el carbono 2 de 1,10-fenantrolina, terminando con el 2-carbaldehído-1,10precursor fenantrolina, el cual permitió la obtención de los ligandos (R,R) y (S,S)2-DPIM mediante reacción de condensación con el puente diamina (1R,2R)-(-)-1,2diaminociclohexano (1S,2S)-(-)-1,2-٧ diaminociclohexano respectivamente.

Respecto a la formación de los complejos, la síntesis en microondas permitió reducir los tiempos reacción de considerablemente. ya métodos que tradicionales de síntesis de complejos fenantrolínicos de Ru(II) implican reacciones a reflujo durante varios días. Así también, en la evaluación de tres precursores de Ru se observó que el uso de Ru(DMSO)<sub>4</sub>Cl<sub>2</sub> permitió la obtención de productos con las características esperadas compuestos de para fenantrolínicos de Ru(II).

Se sintetizaron los correspondientes complejos de Ru(II), obteniendo dos nuevos complejos helicatos bimetálicos, caracterizados todos en solución mediante espectroscopía RMN, espectrometría de masas y dicroísmo circular.

Los experimentos de unión a ADN mostraron que ambos enantiómeros son

capaces de unirse al ADN, sin actividad nucleasa. Los valores de Kb indican que el enantiómero M tiene una afinidad mayor hacia el ADN que el enantiómero P, dando cuenta que la interacción helicato-ADN es un proceso enantioselectivo.

# Bibliografía

- [1] Lehn, J. M. (1993). Supramolecular chemistry. Science, 260, 1762-1763.
- [2] Hannon, M. J., & Childs, L. J. (2004). Helices and helicates: beautiful supramolecular motifs with emerging applications. Supramolecular Chemistry,16(1), 7-22.
- [3] Lehn, J. M. (1995). Supramolecular chemistry (Vol. 1). Vch, Weinheim.
- [4] a) Crassous, J. (2009). Chiral transfer coordination complexes: towards molecular materials. Chemical Society Reviews, 38(3), 830-845. b) Howson, S. E., & Scott, P. (2011). Approaches to the synthesis of optically pure helicates. Transactions, 40(40), Dalton 10268-10277. c) Foley, F. M., Keene, F. R., & Collins, J. G. (2001). The DNA binding of the  $\Delta\Delta$ -,  $\Delta\Lambda$ -and  $\Lambda\Lambda$ stereoisomers of  $[\{Ru(Me2bpy)2\}2(\mu-bpm)]4+$  . Journal of the Chemical Society, Dalton Transactions, (20), 2968-2974.
- [5] Brennan, R. G., & Matthews, B. W. (1989). The helix-turn-helix DNA binding motif. J. biol. Chem, 264(4), 1903-1906.









17, 18 y 19 de octubre de 2018

[6] Hannon, M. J., Moreno, V., Prieto, M. J., Moldrheim, E., Sletten, E., Meistermann, Isaac, C. J., Sanders K. J &Rodger, A. (2001). Intramolecular DNA Coiling Mediated by a Metallo-Supramolecular Cylinder. Angewandte Chemie, 113(5), 903-908.

[7] Moldrheim, E., Hannon, M. J., Meistermann, I., Rodger, A., & Sletten, E. (2002). Interaction between a DNA oligonucleotide and a dinuclear iron (II) supramolecular cylinder; an NMR and molecular dynamics study. JBIC Journal of Biological Inorganic Chemistry, 7(7-8), 770-780.

[8] Childs, L. J., Malina, J., Rolfsnes, B. E, Pascu, M., Prieto M. J., Broome, M. J., Rodger, P. M., Sletten, E., Moreno, V., Rodger, A. & Hannon, M. J. (2006). A DNA-binding copper(I) metallosupramolecular cylinder that acts as an artificial nuclease. Chemistry - A European Journal, 12(18), 4919–4927.

[9] a) Pascu, M., Clarkson, G. J., Kariuki, B. M., & Hannon, M. J. (2006).Aggregation of iminebased metallosupramolecular architectures through  $\pi$ – $\pi$ interactions. Dalton Transactions, (22), 2635-2642. b) Hotze, A. C., Kariuki, B. M., & Hannon, M. J. (2006). Dinuclear Double-Stranded Metallosupramolecular Complexes: Ruthenium Potential Anticancer Drugs. Angewandte Chemie, 118(29), 4957-4960.

[10] Meistermann, I., Moreno, V., Prieto, M., Moldrheim, E., Sletten, E., Khalid, S., Rogder, P., Peberdy, J., Isaac, C., Rodger, A. & Hannon, M. (2002). Intramolecular DNA coiling mediated by a metallo-supramolecular cylinder: Differential binding of P and M helical enantiomers. Proc. Natl. Acad. Sci. USA., 99(8), 5069-5074.

[11] Yu, H., Wang, X., Fu, M., Ren, J., & Qu, X. (2008). Chiral metallosupramolecular complexes selectively recognize human telomeric G-quadruplex DNA. Nucleic acids research, 36(17), 5695-5703.

[12] Brabec, V., Howson, S. E., Kaner, R. A., Lord, R. M., Malina, J., Phillips, R. M., Abdallah, Q. M., McGowen, P. C., Rodger, A & Scott, P. (2013). Metallohelices with activity against cisplatinresistant cancer cells; does the mechanism involve DNA binding?. Chemical Science,4(12), 4407-4416.

[13] a) Castilla, A. M., Ramsay, W. J., & Nitschke, J. R. (2014). Stereochemistry in subcomponent self-assembly. Accounts of chemical research, 47(7), 2063-2073. b) Crassous, J. (2009). Chiral transfer in coordination complexes: towards molecular materials. Chemical Society Reviews, 38(3), 830-845.

[14] a) Howson, S. E., Bolhuis, A., Brabec,V., Clarkson, G. J., Malina, J., Rodger, A.,& Scott, P. (2012). Optically pure, water-









17, 18 y 19 de octubre de 2018

stable metallo-helical 'flexicate' assemblies with antibiotic activity. Nature chemistry, 4(1), 31-36. b) Kaner, R. A., Allison, S. J., Faulkner, A. D., Phillips, R. M., Roper, D. I., Shepherd, S. L., Simpson, D. H., Waterfield N. R & Scott, P. (2016). Anticancer metallohelices: nanomolar potency and high selectivity. Chemical Science.

[15] Sun, W. H., Jie, S., Zhang, S., Zhang, W., Song, Y., Ma, H., ... & Fröhlich, R. (2006). Iron complexes bearing 2-imino-1, 10-phenanthrolinyl ligands as highly active catalysts for ethylene oligomerization. *Organometallics*, *25*(3), 666-677.

[16] Constable, E. C., Zhang, G., Housecroft, C. E., Neuburger, M., & Zampese, J. A. (2010). Diastereoselective assembly of helicates incorporating a hexadentate chiral scaffold. European Journal of Inorganic Chemistry, 2010(13), 2000-2011.

## **Financiamiento**

- Gastos Operacionales 21150493.





